一、 个人简历

**于彦春**，男，1973.01生，吉林通化人，博士，研究员，硕导。浙江省“钱江学者”教授，浙江省中青年学科带头人、 杭州市人才、浙江省“151”人才工程第一层次人选。

1992-1996年，吉林农业大学，学士学位

1996-1999年，吉林农业大学，硕士学位

2001-2004年，浙江大学，博士学位

2004-2007年，中国科学院遗传与发育生物学研究所博士后

2007-2011年，美国佐治亚大学博士后

2011-2012年，杭州师范大学“钱江高级人才”

2012-至今，杭州师范大学研究员

2013年-，  浙江省“钱江学者”教授

二、主授课程

    表观遗传学，文献检索和科技论文写作

三、教研项目

1， 国家自然科学基金重大研究计划培育项目（2014-2016）（**主持**）

“水稻株高及分蘖调控因子DTL1的分离及功能分析”

2， 国家自然科学基金面上项目（2013-2016）（**主持**）

“水稻少分蘖矮秆基因*RTD1* 的克隆及功能研究”

3， 国家自然科学基金面上项目（2012-2015）（**主持**）

“拟南芥表观遗传图谱的建立及功能研究”

4， 国家自然科学基金面上项目（2004-2006）（**主持**）

“水稻弱势突变体的分离和功能研究”

5， 国家自然基金委专项基金项目（2007-2010）（参加）

“水稻株型调控基因的克隆与功能研究及其在驯化中的意义”

6， 国家自然基金面上项目（2005-2007）（参加）

“水稻酚反应控制基因(*Phr1*)的图位克隆研究”

 7， 国家自然基金面上项目（2004-2006）（参加）

“水稻无穗突变体(nop1)的克隆研究”）

8， 国家自然基金面上项目（2003-2005）（参加）

“水稻低纤维素突变基因的精细定位和育种利用”

9， 浙江省留学人员择优资助计划项目 (2012-2015) (**主持**)

“组蛋白H3K36me3表观遗传图谱的建立及功能研究”

10，杭州市高层次留学回国人员（团队）在杭创业创新项目（2014-2017）（**主持**）

“水稻株高粒型控制QTL(qGL5-1)的鉴定及功能研究”

四、主要成果（论著、专利、获奖、其他）

[1] Xu, C**\***., Wang, Y**\***., **Yu, Y\***., Duan, J., Liao, Z., Xiong, G., Meng, X., Liu, G., Qian, Q., Li. J., (2012) Degradation of MOC1 by the anaphase-promoting complex regulates rice tillering. ***Nat. Commun.***3:750 doi: 10.1038/ ncomms1743**. (\*Co-first authors)**

[2] Guo, L**\***., **Yu, Y\***., Law, J.A., and Zhang, X, (2010) SET DOMAIN GROUP2 is the major histone H3 lysine 4 trimethyltransferase in Arabidopsis. ***Proc Natl Acad Sci USA***. 107 (43): 18557-18562 **(\*Co-first authors)**

[3] Zhang, M**\***., Zhang, B**\***., Qian, Q**\***., **Yu, Y\***., Li, R., Zhang, J., Liu, X., Zeng, D., Li, J., and Zhou, Y, (2010) Brittle Culm 12, a dual-targeting kinesin-4 protein, controls cell-cycle progression and wall properties in rice. ***Plant J*** 63: 312-328. **(\*Co-first authors)**

[4] Chodavarapu, R.K., Feng, S., Bernatavichute, Y.V., Chen, P.Y., Stroud, H., **Yu, Y**., Hetzel, J.A., Kuo, F., Kim, J., Cokus, S.J.*, et al.* (2010) Relationship between nucleosome positioning and DNA methylation. ***Nature*** 466: 388-392.

[5] Sanchez, M., Costas, C., Hume, S., **Yu, Y**., Oliveros, J.,Feng, S., Benguria, A., Vidriero, J., Zhang, X., Solano, R., Jacobsen, S., Guitierrez, C., (2010) Genome-wide identification of Arabidopsis origins of DNA replication and their associated epigenetic signatures. ***Nat Struct Mol Biol***. 18(3):395–400

[6] Xiong, G., Li, R., Qian, Q., Song, X., Liu, X., **Yu, Y**., Zeng, D., Wan, J., Li, J., and Zhou, Y, (2010) The rice dynamin-related protein DRP2B mediates membrane trafficking and thereby plays a critical role in secondary cell wall cellulose biosynthesis. ***Plant J*** 64(1):56-70

[7]**Yu, Y**., Tang, T., Qian, Q., Wang, Y., Yan, M., Zeng, D., Han, B., Wu, C., Shi, S., and Li, J, (2008) Independent losses of function in a polyphenol oxidase in rice: differentiation in grain discoloration between subspecies and the role of positive selection under domestication. ***Plant Cell*** 20: 2946-2959

[8] Xiong, G., Hu, X., Jiao, Y., **Yu, Y**., Chu, C., Li, J., Qian, Q., and Wang, Y, (2006) *Leafy head2*, which encodes a putative RNA-binding protein, regulates shoot development of rice. ***Cell Res*** 16: 267-276.

   联系电话 ：0571-28866569

   邮箱：ycyu@hznu.edu.cn

   QQ:105401779